Genetic diversity in changing environments

Kavita Jain (jain@jncasr.ac.in)

J. Nehru Centre, Bangalore

[with Sachin Kaushik (UNC), Parul Johri (UNC)]

▲□▶▲□▶▲≡▶▲≡▶ ≡ めぬ⊙

Moran process (Moran 1958)

- Start with a single mutant (1), N-1 wild type (0)
- No further mutations are allowed
- Mutant fitness = 1 + s, wild type fitness = 1
- Prob(birth) \propto fitness, Prob(death) $\propto 1$

$$p_{i \rightarrow i+1} \propto (1+s)i \times (N-i)$$

・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・

$$p_{i \to i-1} \propto (N-i) \times i$$

• Two absorbing states: eventually none or all mutants

Fixation probability

- Starting with single mutant, prob eventually all mutants?
- Backward Fokker-Planck equation for P(p, t; x = 1, t' > t),

$$-\frac{\partial P(p,t)}{\partial t} = \frac{sp(1-p)}{2}\frac{\partial P(p,t)}{\partial p} + \frac{p(1-p)}{2N}\frac{\partial^2 P(p,t)}{\partial p^2}$$

• For boundary conditions, P(0, t) = 0, P(1, t) = 1,

$$P(p = rac{1}{N}, t o \infty) = rac{1 - e^{-s}}{1 - e^{-Ns}} pprox \begin{cases} s & , \ Ns \gg 1 \\ rac{1}{N} & , \ s = 0 \\ e^{-N|s|} & , \ Ns \ll -1 \end{cases}$$

Mean sojourn time

• Mean # of visits to a site before eventual absorption



 Mean time spent between x and x + dx, starting from p, before eventual absorption,

$$G(p; x) = \int_{-\infty}^{0} P(p, t; x, 0) dt \ , \ 0 < x < 1$$

▲□▶ ▲□▶ ▲□▶ ▲□▶ ■ ●の00

where, P(p, t; x, 0) obeys the backward equation

Mean sojourn time

• Since

$$-\frac{\partial P(p,t)}{\partial t} = a(p)\frac{\partial P(p,t)}{\partial p} + b(p)\frac{\partial^2 P(p,t)}{\partial p^2}$$

• Mean sojourn time is the Green's function,

$$a(p)rac{\partial G(p;x)}{\partial p} + b(p)rac{\partial^2 G(p;x)}{\partial p^2} = -\delta(x-p)$$

with G(0; x) = G(1; x) = 0

• Mean absorption time, starting from p,

$$\int_0^1 G(p; x) dx$$

Moran process: mean sojourn time

• Starting with single mutant, the mean sojourn time is

$$G(p;x) \stackrel{x > p \to 0}{=} \frac{1}{x(1-x)} \frac{1-e^{-Ns(1-x)}}{1-e^{-Ns}} \propto \begin{cases} \frac{1}{x(1-x)} & , Ns \gg 1\\ \frac{1}{x} & , s = 0\\ e^{-N|s|(1-x)} & , Ns \ll -1 \end{cases}$$



▲□▶ ▲□▶ ▲臣▶ ★臣▶ = 臣 = のへで

Genetic diversity

• Data from 6 individuals, large number of sequenced loci

Loci Samples	1	2	3	4	5	6	7	8	
1	0	1	0	0	0	0	1	0	
2	1	0	1	0	0	0	1	0	
3	0	1	1	0	0	1	1	0	
4	0	0	0	0	1	0	1	1	
5	0	0	1	0	0	0	1	0	
6	0	0	0	1	0	1	1	0	

▲□▶▲□▶▲□▶▲□▶ ■ のへで

- E.g., how many 'diverse' loci?
- What evolutionary forces shaped the diversity?

Site frequency spectrum

• f(j, t)=Mean # of loci with 0 < j < N mutants at time t?



• Measurable from data; $\sum_{j=1}^{N-1} f(j, t) = \#$ of diverse loci; ...

Modeling genetic diversity (Sawyer+Hartl 1992)

- Assume: independent evolution at each locus
- Stochastic (say, Moran) trajectories start with single mutant that arrive at different instants with rate $2N\mu$
- No more mutations (assuming infinite loci)



Stationary state

Trajecs lost due to absorption; created via new mutations



• Mean # of loci with freq 0 < x < 1 at large times?

$$f(x, t \to \infty) = 2N\mu \int_{-\infty}^{0} P(p \to 0, t; x, 0) dt \propto G(p \to 0; x)$$

▲□▶ ▲□▶ ▲□▶ ▲□▶ □ のQで

Moran process: Stationary state

• Assuming stationary state, SFS used to infer selection



• Mean number of 'diverse' loci,

$$\int_{\frac{1}{N}}^{1-\frac{1}{N}} f(x) dx \approx 2N\mu \times \begin{cases} 2\ln N & , Ns \gg 1\\ \ln N & , s = 0\\ const & , Ns \ll -1 \end{cases}$$

Larger populations are more diverse

Diversity in nonequilibrium situations

• Dynamics of f(x, t) in constant environments

How diversity varies with time? Relaxation to equilibrium? (Evans et al. 2007; ...; Götsch+Bürger 2023)

• In time-inhomogeneous environments?

Effect of changing population size (Williamson et al. 2005 ...), changing selection (Huerta-Sanchez et al. 2008; Kaushik+KJ 2021), both (KJ+Kaushik 2022; Balick 2023)

Fokker-Planck equation with time-dependent rates

• Starting from $p \rightarrow 0$, we have

$$f(x,t) = \int_0^t 2N(t')\mu \times P(x,t;p,t')dt'$$

• The <u>forward</u> Fokker-Planck equation for *f*(*x*, *t*) is (Evans, Shvets, Slatkin 2007)

$$\frac{\partial f(x,t)}{\partial t} = -s(t)\frac{\partial}{\partial x}\left[\frac{x(1-x)f(x,t)}{2}\right] + \frac{\partial^2}{\partial x^2}\left[\frac{x(1-x)f(x,t)}{2N(t)}\right]$$

• Mutational input modeled by a boundary condition:

$$\operatorname{Lim}_{x\to 0} f(x,t) = \frac{2N(t)\mu}{x}, \quad f(1,t) = \operatorname{finite}$$

◆□▶ ◆□▶ ◆三▶ ◆三▶ 三三 のへぐ

Fokker-Planck equation with time-dependent rates

• Since inhomogeneous boundary condition, work with

$$v(x, t) = x(1-x)f(x, t) - 2N(t)\mu(1-x)$$

• Expand in an orthonormal basis (that obey bdry condns) with time-dependent coefficients,

$$v(x,t) = \sum_{m} a_{m}(t)\psi_{m}(x)$$

 Due to selection term, in general, a_m(t) obeys a three-term recursion (Kimura 1964; KJ+Devi 2020)

$$\frac{da_m}{dt} = c_+(m)a_{m+1} + c_-(m)a_{m-1} + c_0(m)a_m$$

・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・

Neutral case: exactly solvable (Evans et al. 2007)

• For s = 0, we have

$$\frac{\partial f(x,t)}{\partial t} = \frac{\partial^2}{\partial x^2} \left[\frac{x(1-x)f(x,t)}{2N(t)} \right]$$

• Expand in eigenfunctions,

$$\frac{\partial^2}{\partial x^2} \left[\frac{x(1-x)\psi}{2} \right] = -\lambda\psi(x)$$

▲□▶▲□▶▲≡▶▲≡▶ ≡ めぬぐ

given by Gauss hypergeometric function (Kimura 1955)

I. Periodically changing environment (KJ+Kaushik 2022)

- e.g., seasonal variations can affect fitness in plants
- demography due to, for e.g., prey-predator dynamics



イロト 不得 トイヨト イヨト

-

Model parameters

$$\frac{\partial f(x,t)}{\partial t} = -s(t)\frac{\partial}{\partial x}\left[\frac{x(1-x)f(x,t)}{2}\right] + \frac{\partial^2}{\partial x^2}\left[\frac{x(1-x)f(x,t)}{2N(t)}\right]$$

• In general,

$$s(t) = \bar{s} + \sigma \sin(\omega t + \phi)$$
$$N(t) = \bar{N}[1 + \nu \sin(\Omega t + \Phi)]$$

- Time scales: $\bar{N}, 1/\bar{s}, \omega^{-1} = \Omega^{-1}$
 - Slowly changing environment, $\omega^{-1}\gg \bar{\textit{N}}, 1/\bar{s}$
 - Rapidly changing environment, $\omega^{-1} \ll \bar{\textit{N}}, 1/\bar{\textit{s}}$
- At late times, f(x, t) changes periodically; on averaging

$$\overline{f}(x) = \frac{\omega}{2\pi} \int_0^{2\pi/\omega} f(x, t) dt$$

Slowly changing environment

• Adiabatic approx: $s \rightarrow s(t), N \rightarrow N(t)$ in stationary result



• In the absence of selection,

$$f(x,t) = rac{2N(t)\mu}{x}$$
, $\overline{f}(x) = rac{2N\mu}{x}$

▲□▶ ▲□▶ ▲□▶ ▲□▶ □ のQで

Slowly changing environment

• But with selection, nonlinear dependence on *N*, *s*:

$$f(x,t) \approx \begin{cases} \frac{2N(t)\mu}{x(1-x)} &, N(t)s(t) \gg 1\\ \frac{2N(t)\mu}{x(1-x)} e^{-N(t)|s(t)|x} &, N(t)s(t) \ll -1 \end{cases}$$

• Only positive part of cycle contributes,

$$\overline{f}(x) = \frac{1}{x(1-x)} \times \int_0^{2\pi/\omega} 2\mu N(t') \Theta_H[s(t')] \frac{dt'}{2\pi/\omega}$$

◆□▶ ◆□▶ ◆三▶ ◆三▶ 三三 のへぐ

Implications

$$\overline{f}(x) = \frac{1}{x(1-x)} \times \int_0^{2\pi/\omega} 2\mu N(t') \Theta_H[s(t')] \frac{dt'}{2\pi/\omega}$$

• Even if selection zero on average, $\overline{f}(x)$ still U-shaped

 \implies misinfer parameters if assume constant selection



 Lewontin's paradox (1974): Observed (neutral) diversity smaller than predicted using census pop size. Effective pop size captures joint effect of changing N and s (KJ+Kaushik 2022); lower diversity than average pop size

Rapidly varying environment

• In the absence of selection, using the exact solution,

$$\bar{f}(x) = \frac{1}{x} \times \left[\int_0^{2\pi/\omega} \frac{2\mu}{N(t')} \frac{dt'}{2\pi/\omega} \right]^{-1}$$

so that effective pop size is the harmonic mean

 With selection, numerical analyses suggest that stationary state results with average parameters (*N*, *s*) hold (but not always true)

・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・

Diversity in changing environment

• Varies non-monotonically with environmental frequency



Max/min depends on other parameters (dominance coeff)

人口 医水黄 医水黄 医水黄素 化甘油

- **II. Selective sweep** (Maynard Smith+Haigh 1974)
 - Motivated by Lewontin's paradox of low diversity
 - Consider Moran process for 2 physically <u>linked</u> loci
 W0, W1 have fitness 1; S0, S1 have 1 + s, s > 0

1	W0	W0	W0	S1
2	W0	W0	W0	S1
3	W1	W1	S1	S1
4	W1	S1	S1	S1

• Due to selection at special site (provided *S* not lost), initial diversity in 0s and 1s is lowered

Selective sweep in asexuals (with Kaushik+Johri)

- As before: large number of loci; single 1 arises at new loci at different instants
- But now "interacting" loci as they are physically linked

1	W 0 0	W 0 0	W 0 0 0	S100
2	W 0 0	W 0 0	W 0 0 0	S 1 0 0
3	W 0 0	S 1 0	S 1 0 0	S 1 1 0
4	S 1 0	S 1 0	S 1 1 0	S 1 1 0

▲□▶ ▲□▶ ▲ 三▶ ▲ 三▶ 三 のへぐ

• Process stops when S is fixed in the population

Diversity in growing population

- Interested in diversity in S-subpopulation
- Full model has selection (W vs. S), fixed population size but within S-subpop, no selection but growing size, N(t)

S 1 0 0...

▲□▶ ▲□▶ ▲□▶ ▲□▶ ■ ●の00

- S 1 1 0...
- S 1 0... S 1 0 0... S 1 0 0...
- $S \ 1 \ 0 ... \qquad S \ 1 \ 1 \ 0 ... \qquad S \ 1 \ 1 \ 0 ... \qquad S \ 1 \ 1 \ 0 ...$

Moran process with growing size

- Assume: independent evolution at each locus
- When S-subpop size remains same

• If increases, either type equally likely to be added

• If decreases, either type equally likely to be removed

Fokker-Planck equation

- Change in <u>frequency</u> requires taking care of not only change in mutant number but also population size
 E.g., n_{t+1} = n_t, N_{t+1} = N_t + 1,...
- The effective pop size is derived,

$$\frac{\partial f(x,t)}{\partial t} = \frac{\partial^2}{\partial x^2} \left[\frac{x(1-x)f(x,t)}{2N_e(t)} \right]$$

・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・

 $N_e(t)$ is smaller than the naïve expectation, N(t)

On-fixation diversity

• At the end of the process when S has fixed,

$$f(x,t_{fix}) \sim \left\{egin{array}{c} 1/x \;,\; x
ightarrow 0 \ 1/x^2 \;,\; x
ightarrow 1 \end{array}
ight.$$



イロト 不得 トイヨト イヨト

æ

• Dynamics under study

Summary

- Long history of fruitful exchange of ideas between population genetics, statistical physics, probability theory (de Vladar+Barton 2011)
- Resolving Lewontin's paradox: joint effect of several factors including demography, fluctuating selection, sweeps, ...; nonequilibrium population, consider dynamics (Charlesworth+Jensen 2022)
- Considered stochastic models with time-dependent rates

・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・
 ・